



## INFORMAZIONI PERSONALI

**Nome** SANNA SERENA  
**Indirizzo** VIA PIETRO LEO 70, ARBUS 09031, CAGLIARI, ITALY  
**Telefono** (+39) 070 6754618  
**E-mail** [serena.sanna@gmail.com](mailto:serena.sanna@gmail.com)  
[aamichigan@gmail.com](mailto:aamichigan@gmail.com)  
[serena.sanna@inn.cnr.it](mailto:serena.sanna@inn.cnr.it)  
**Webpage** <http://www.serenasanna.com>  
**Nazionalità** Italiana  
**Data di nascita** 15 NOVEMBRE 1980  
**Luogo di nascita** San Gavino Monreale (Cagliari, Italy)



## ESPERIENZA LAVORATIVA

- **Date (da – a)** 1 Febbraio 2008 – Presente
- **Datore di lavoro** Istituto di Neurogenetica e Neurofarmacologia del CNR  
c/o Cittadella Universitaria di Monserrato  
SS 554 bivio per Sestu Km 4500, Monserrato 09042 (CA)
- **Tipo di impiego** Collaborazione Cordinata e Continuativa
- **Progetti** ‘ProgeNIA, *Gene-finding and longitudinal study for age-associated conditions in a Sardinian population cohort*’.

‘QTSCD: *gene-finding for QT interval variation and sudden cardiac death*’  
‘MAGIC: *Meta-Analysis of Glucose and Insulin-related trait Consortium*’  
‘CHARGE: *Cohorts for Heart and Aging Research in Genomic Epidemiology*’  
‘GIANT: *Genomewide Investigation of ANthropometric Traits*’

‘Case-Control study of autoimmune diseases in Sardinia’  
‘Case-Control study of breast cancer in Sardinians’ (in collaborazione con il Dott. Giuseppe Palmieri, ICB-CNR)
- **Principali mansioni e responsabilità** Controllo di qualità di dati genotipici (SNPs) derivanti da piattaforme ad alta produttività.  
Analisi di Linkage e Associazione di tratti quantitativi in popolazioni isolate, e analisi di associazione per studi di tipo caso-controllo, applicate sia all’intero genoma che a geni candidati.  
Utilizzo di metodi di inferenza per la predizione di marcatori genetici non tipizzati a partire da database pubblici.

Meta-analisi per la combinazione dei risultati di associazione dell’intero genoma, provenienti da diversi gruppi di ricerca.  
Cordinatore dei progetti interni ai consorzi internazionali: MAGIC, GIANT, CHARGE e QTSCD.

Creazione di figure di alta qualità per pubblicazioni scientifiche tramite programmazione in R.

Supervisore di Eleonora Porcu, contrattista presso l'Istituto INN-CNR, da Novembre 2008; di Ilenia Zara, contrattista presso il centro di ricerca CRS4, Pula (CA), da Novembre 2008; di Carlo Sidore, contrattista presso il Laboratorio di Genomica, SardegnaRicerche, Pula (CA), da Maggio 2009

• **Descrizione dei progetti svolti**

Il progetto 'ProgeNIA, genetica delle malattie legate all'invecchiamento' raccoglie piu' di 6 mila individui, rappresentanti di 711 famiglie della regione dell'Ogliastra in Sardegna. I volontari stati caratterizzati per oltre 100 tratti quantitativi e sono stati genotipizzati con le tecnologie Affymetrix: 10K Array chip, 500K Array chip e 6.0 Array chip. Tramite metodi di inferenza che sfruttano la condivisione di segmenti di cromosomi tra membri della stessa famiglia, si é potuto inferire gli SNPs presenti nel chip 6.0 in coloro che erano tipizzati solo con i chips 10K o 500K. Per ogni tratto quantitativo é stato condotto uno studio di associazione dell'intero genoma (GWAS).

Il dataset é stato inoltre integrato con i dati disponibili dal progetto HapMap (Haplotype Mapping Project, [www.hapmap.org](http://www.hapmap.org)) e dal progetto 1000 Genomes ([www.1000genomes.org](http://www.1000genomes.org)), con l'uso di metodi di inferenza. Tali metodi, che si basano sulla ricostruzione degli aplotipi in studio come combinazione mosaica di aplotipi di campione di riferimento, come quelli HapMap e 1000 Genomes, hanno permesso di inferire oltre 6 milioni di SNPs su tutta la coorte ProgeNIA.

Il gruppo ProgeNIA, noto all'estero come SardiNIA (<http://sardinia.nia.nih.gov>), fa parte di diversi consorzi internazionali, tra cui MAGIC, GIANT, QTSCD e CHARGE, che consistono nella collaborazione tra decine di gruppi di ricerca che hanno effettuato studi GWAS. I GWAS vengono combinati con dei metodi statistici di meta-analisi per poter individuare quelle varianti geniche non osservabili con numerosità campionarie ristrette.

Parallelamente a ProgeNIA, che mira allo studio di tratti quantitativi nella popolazione generale, si sono condotti degli studi di tipo caso-controllo su malattie autoimmuni, quali il diabete di tipo 1 e la sclerosi multipla. e il cancro alla mammella. I volontari, circa 1000 casi per malattia e 1000 controlli, tutti provenienti dalla Sardegna, sono stati genotipizzati con il chip Affymetrix 6.0. Anche in questo caso, dei metodi di inferenza sono stati utilizzati per condurre un'associazione genomica su oltre 6 milioni di varianti

Il lavoro é stato svolto con l'utilizzo dei programmi Merlin, Pedstats, Mach, EIGENSTRAT, METAL, IMPUTE e integrata con programmazione in Perl, C++, R, mySQL.

---

|                           |   |
|---------------------------|---|
| • <b>Date (da – a)</b>    | 1 Settembre 2007 – 15 Gennaio 2008  |
| • <b>Datore di lavoro</b> | Istituto di Neurogenetica e Neurofarmacologia del CNR<br>c/o Cittadella Universitaria di Monserrato<br>SS 554 bivio per Sestu Km 4500, Monserrato 09042 (CA)  |
| • <b>Tipo di impiego</b>  | Contrattista (Prestazione Occasionale)  |
| • <b>Progetti</b>         | 'ProgeNIA, Gene-finding and longitudinal study for age-associated conditions in a Sardinian population cohort'.<br><br>'QTSCD: gene-finding for QT interval variation and sudden cardiac death'<br>'GIANT: Genomewide Investigation of ANthropometric Traits' |

**Principali mansioni e responsabilità**

Controllo di qualità di dati genotipici (SNPs) derivanti da piattaforme ad alta produttività.

Analisi di Linkage e Associazione di tratti quantitativi in popolazioni isolate, e analisi di associazione per studi di tipo caso-controllo, applicate sia all'intero genoma che a geni candidati.

Utilizzo di metodi di inferenza per la predizione di marcatori genetici non tipizzati a partire da database pubblici.

Meta-analisi per la combinazione dei risultati di associazione dell'intero genoma, provenienti da diversi gruppi di ricerca

Cordinatore di progetti interni al consorzio internazionale QTSCD, GIANT, FSD

Creazione di figure di alta qualità per pubblicazioni scientifiche tramite programmazione in R.

---

**• Date (da – a)**

1 Settembre 2005 – 31 Agosto 2007

**• Datore di lavoro**

*Center for Statistical Genetics*

Department of Biostatistics, University of Michigan

1420 Washington Heights, MI, USA

**• Tipo di impiego**

Post Doctoral Fellow

**• Advisor**

G. R. Abecasis

**• Progetti**

'ProgeNIA, *Gene-finding and longitudinal study for age-associated conditions in a Sardinian population cohort*'.

*FSD: Genetics of Lipids concentration and Stature in Fusion-SardiNIA-DGI studies*

**• Principali mansioni e responsabilità**

Controllo di qualità di dati genotipici (SNPs)

Analisi di Linkage e Associazione di tratti quantitativi in studi di popolazione.

Analisi di associazione condizionata (conditional analysis).

Design di custom chip per studi di fine-mapping e replicazione.

Creazione di un programma per la suddivisione di famiglie estese in piccoli sottogruppi.

Meta-analisi per la combinazione dei risultati di associazione dell'intero genoma, provenienti da diversi gruppi di ricerca

Creazione di figure di alta qualità per pubblicazioni scientifiche tramite programmazione in R.

**• Descrizione dei progetti svolti**

Il progetto 'ProgeNIA, genetica delle malattie legate all'invecchiamento' raccoglie piu' di 6 mila individui dell'Ogliastra, in Sardegna, che sono stati caratterizzati per 98 tratti quantitativi. I volontari sono stati genotipizzati con le tecnologie Affymetrix: 10K Array chip, 500K Array chip. Tramite metodi di inferenza che sfruttano la condivisione di segmenti di cromosomi tra membri della stessa famiglia, si é potuto inferire gli SNPs presenti nel chip 500K in coloro che erano tipizzati solo con i chips 10K.. Per ogni tratto quantitativo é stato condotto uno studio GWAS.

Per poter far fronte ai problemi di complessità di calcolo, le famigli più grandi sono state suddivise in piccole sottofamiglie. L'algoritmo é é stato implementato in Perl, e il programma é stato presentato a delle conferenze e diffuso ad altri ricercatori.

Il dataset é stato inoltre integrato con i dati disponibili dal progetto HapMap (Haplotype Mapping Project, [www.hapmap.org](http://www.hapmap.org)) con l'uso di metodi di inferenza. Tali metodi, che si basano sulla ricostruzione degli aplotipi in studio come combinazione mosaica di aplotipi di campione di riferimento, come quelli disponibili su HapMap, hanno permesso di inferire oltre 2 milioni di SNPs.

Per proseguire e approfondire lo studio sulle regioni che hanno rivelato associazione o linkage, sono stati selezionati 12K SNPs che sono stati inseriti in un custom chip Affymetrix. Con tale chip si é genotipizzato un gruppo di individui non imparentati con quelli utilizzati nel GWAS, per poter replicare le associazioni individuate nelle prime analisi.

Il gruppo ProgeNIA, noto all'estero come SardiNIA (<http://sardinia.nia.nih.gov>) ha collaborato con i gruppi FUSION (Finland-United States Investigation of NIDDM Genetics) e DGI (Diabetes Genetic Initiative, Broad Institute) per uno studio di meta-analisi sulla concentrazione dei lipidi e sulla statura.

Il lavoro é stato svolto con l'utilizzo dei programmi Merlin, Pedstats, Mach, e integrata con programmazione in Perl, C++, R, MySQL.

---

|  |  |
|--|--|
| <b>• Date (da – a)</b>                         | 1 Settembre 2004 – 31 Agosto 2005  |
| <b>• Nome e indirizzo del datore di lavoro</b> | Istituto di Neurogenetica e Neurofarmacologia del CNR<br>c/o Cittadella Universitaria di Monserrato<br>SS 554 bivio per Sestu Km 4500, Monserrato 09042 (CA)                         |
| <b>• Tipo di impiego</b>                       | Collaborazione Coordinata e Continuativa   |
| <b>• Advisor</b>                               | Giuseppe Pilia   |
| <b>• Progetti</b>                              | 'ProgeNIA, <i>Gene-finding and longitudinal study for age-associated conditions in a Sardinian population cohort</i> '.<br><br>"Research of asthma susceptibility genes in Sardinia" |
| <b>• Principali mansioni e responsabilità</b>  | Supporto alla gestione del database ProgeNIA e del database del progetto Asma.<br>Analisi statistica genetica ed epidemiologica su dati preliminari del progetto ProgeNIA.           |

---

|  |  |
|--|--|
| <b>• Date (da – a)</b>                         | 1 Marzo 2004 –31 Agosto 2004   |
| <b>• Nome e indirizzo del datore di lavoro</b> | Istituto di Neurogenetica e Neurofarmacologia del CNR<br>c/o Cittadella Universitaria di Monserrato<br>SS 554 bivio per Sestu Km 4500, Monserrato 09042 (CA)                         |
| <b>• Tipo di impiego</b>                       | Contrattista (Prestazione Occasionale)   |
| <b>• Advisor</b>                               | Giuseppe Pilia   |
| <b>• Progetti</b>                              | 'ProgeNIA, <i>Gene-finding and longitudinal study for age-associated conditions in a Sardinian population cohort</i> '.<br><br>"Research of asthma susceptibility genes in Sardinia" |
| <b>• Principali mansioni e responsabilità</b>  | Supporto alla gestione del database ProgeNIA e del database del progetto Asma.<br>Analisi statistica genetica ed epidemiologica su dati preliminari del progetto ProgeNIA.           |

## ATTIVITÀ SCIENTIFICA

### Pubblicazioni

#### 2010

1. Soranzo N.\*, **Sanna S.\***, Wheeler E.\*, Gieger C.\*, Radke D.\* et al. *Common variants at ten genomic loci influence hemoglobin A1C levels via glycemic and non-glycemic pathways*. Diabetes submitted
2. **Sanna S.**, Pitzalis M., Zoledziwska M. et al. Nature Genetics in press
3. Chambers JC, Zhang W, Lord GM, van der Harst P, Lawlor DA, Sehmi JS, Gale DP, Wass MN, Ahmadi KR, Bakker SJ, Beckmann J, Bilo HJ, Bochud M, Brown MJ, Caulfield MJ, Connell JM, Cook HT, Cotlarciuc I, Smith GD, de Silva R, Deng G, Devuyst O, Dikkeschei LD, Dimkovic N, Dockrell M, Dominiczak A, Ebrahim S, Eggermann T, Farrall M, Ferrucci L, Floege J, Forouhi NG, Gansevoort RT, Han X, Hedblad B, van der Heide JJ, Hepkema BG, Hernandez-Fuentes M, Hypponen E, Johnson T, de Jong PE, Kleefstra N, Lagou V, Lapsley M, Li Y, Loos RJ, Luan J, Luttrupp K, Maréchal C, Melander O, Munroe PB, Nordfors L, Parsa A, Peltonen L, Penninx BW, Perucha E, Pouta A, Prokopenko I, Roderick PJ, Ruukonen A, Samani NJ, **Sanna S**, Schalling M, Schlessinger D, Schlieper G, Seelen MA, Shuldiner AR, Sjögren M, Smit JH, Snieder H, Soranzo N, Spector TD, Stenvinkel P, Sternberg MJ, Swaminathan R, Tanaka T, Ubink-Veltmaat LJ, Uda M, Vollenweider P, Wallace C, Waterworth D, Zerres K, Waeber G, Wareham NJ, Maxwell PH, McCarthy MI, Jarvelin MR, Mooser V, Abecasis GR, Lightstone L, Scott J, Navis G, Elliott P, Kooner JS. *Genetic loci influencing kidney function and chronic kidney disease*. Nat Genet. 2010 Epub Apr 11 2010
4. Pfeufer A., van Noord C., Marciante K. D., Dan E. Arking, Larson M. G., Smith A.V., Tarasov K.V., Müller M., Sotoodehnia N., Sinner MF, Verwoert GC, Li M., Kao WH L, Köttgen A, Coresh J, Bis JC, Psat BM, Rice K, Rotter JI, Rivadeneira F, Hofman A, Kors JA, Stricker B HC, Uitterlinden AG, van Duijn CM, Beckmann BM, Sauter W, Gieger C, Lubitz SA, Newton-Cheh C, Wang TJ, Magnani WJ, Schnabel RB, Chung MK, Barnard J, Smith JD, van Wagoner DR, Vasani RS, Aspelund T, Eiriksdottir G, Harris TB, Launer LJ, Najjar SS, Lakatta E, Schlessinger D, Uda M, Abecasis GR, Müller-Myhsok B, Ehret GB, Boerwinkle E, Chakravarti A, Soliman EZ, Lunetta KL, Perz S, Wichmann HE, Meitinger T, Levy D, Gudnason V\*, Ellinor PT\*, **Sanna S\***, Kääb S\*, Witteman JCM\*, Alonso A\*, Benjamin EJ \*, Heckbert SR\* . *Genome-wide association study of PR interval*. Nature Genetics Vol 42 pp 153-159, Epub January 10, 2010
5. Dupuis J\*, Langenberg C\*, Prokopenko I\*, Saxena R\*, Soranzo N \*, Jackson AU, Wheeler E, Glazer NL, Bouatia-Naji N, Gloyn AL, Lindgren CM, Mägi R, Morris AP, Randall J, Johnson T, Elliott P, Rybin D, Thorleifsson G, Steinthorsdottir V, Henneman P, Grallert H, Dehghan A, Hottenga JJ, Franklin CS, Navarro P, Song K, Goel A, Perry JRB, Egan JM, Lajunen T, Grarup N, Sparsø T, Doney A, Voight BF, Stringham HM, Li M, Kanoni S, Shrader P, Cavalcanti-Proença C, Kumari M, Qi L, Timpson NJ, Gieger C, Zabena C, Rocheleau G, Ingelsson E, An P, O'Connell J, Luan J, Elliott A, McCarroll SA, Payne F, Roccascaccia RM, Pattou F, Sethupathy P, Ardlie K, Ariyurek Y, Balkau B, Barter P, Beilby JP, Ben-Shlomo Y, Benediktsson R, Bennett AJ, Bergmann S, Bochud M, Boerwinkle E, Bonnefond A, Bonnycastle LL, Borch-Johnsen K, Böttcher Y, Brunner E, Bumpstead SJ, Charpentier G, Chen Y, Chines P, Clarke R, Coin LJM, Cooper MN, Cornelis M, Crawford G, Crisponi L, Day INM, de Geus Eco, D, Dina C, Erdos MR, Fedson AC, Fischer-Rosinsky A, Forouhi NG, Fox CS, Frants R, Franzosi MG, Galan P, Goodarzi MO, Graessler J, Groves CJ, Grundy S, Gwilliam R, Gyllenstein U, Hadjadj S, Hallmans G, Hammond N, Han X, Hartikainen A, Hassanali N, Hayward C, Heath SC, Hercberg S, Herder C, Hicks AA, Hillman DR, Hingorani AD, Hofman A, Hui J, Hung J, Isomaa B, Johnson PRV, Jørgensen T, Jula A, Kaakinen M, Kaprio J, Kesaniemi YA, Kivimäki M, Knight B, Koskinen S, Kovacs P, Kyvik KO, Lathrop GM, Lawlor DA, Bacquer OL, Lecoeur C, Li Y, Lyssenko V, Mahley R, Mangino M, Manning AK, Martínez-Larrad MT, McAteer JB, McCulloch LJ, McPherson R, Meisinger C, Melzer D, Meyre D, Mitchell BD, Morken MA, Mukherjee S, Naitza S, Narisu N, Neville MJ, Oostra BA, Orrù M, Pakyz R, Palmer CNA, Paolisso G, Pattaro C, Pearson D, Peden JF, Pedersen NL, Perola M, Pfeiffer AFH, Pichler I, Polasek O, Posthuma D, Potter SC, Pouta A, Province MA, Psaty BM, Rathmann W, Rayner NW, Rice K, Ripatti S, Rivadeneira F, Roden M, Rolandsson O, Sandbaek A, Sandhu M, **Sanna S**, Sayer AA, Scheet P, Scott LJ, Seedorf U, Sharp SJ, Shields B, Sigurdsson G, Sijbrands EJG, Silveira A, Simpson L, Singleton A, Smith NL, Sovio U, Swift A, Syddall H, Syvänen A, Tanaka T, Thorand B, Tichet J, Tönjes A, Tuomi T, Uitterlinden AG, van Dijk KW, van Hoek M, Varma D, Visvikis-Siest S, Vitart V, Vogelzangs N, Waeber G, Wagner PJ, Walley A, Walters GB, Ward KL, Watkins H, Weedon MN, Wild SH, Willemsen G, Witteman JCM, Yarnell JWG, Zeggini E, Zelenika D, Zethelius B, Zhai G, Zhao JH, Zillikens MC, DIAGRAM Consortium, GIANT Consortium, Global BPGen Consortium, Borecki IB, Loos RJJ, Meneton P, Magnusson PKE, Nathan DM, Williams GH, Hattersley AT, Silander K, Salomaa V, Smith GD, Bornstein SR, Schwarz P, Spranger J, Karpe F, Shuldiner AR, Cooper C, Dedoussis GV, Serrano-Ríos M, Morris AD, Lind L, Palmer LJ, Hu FB, Franks PW, Ebrahim S, Marmot M, Kao WHL, Pankow JS, Sampson MJ, Kuusisto J, Laakso M, Hansen T, Pedersen O, Pramstaller PP, Wichmann HE, Illig T, Rudan I, Wright AF, Stumvoll M, Campbell H, Wilson JF, Hamsten A on behalf of Procardis consortium, Bergman RN, Buchanan TA, Collins FS, Mohlke KL, Tuomilehto J, Valle TT, Altshuler D, Rotter JI, Siscovick DS, J BW, Penninx H, Boomsma D, Deloukas P, Spector TD, Frayling TM,

Ferrucci L, Kong A, Thorsteinsdottir U, Stefansson K, van Duijn CM, Aulchenko YS, Cao A, Scuteri A, Schlessinger D, Uda M, Ruukonen A, Jarvelin M, Waterworth DM, Vollenweider P, Peltonen L, Mooser V, Abecasis GR, Wareham NJ, Sladek R, Froguel P, Watanabe RM, Meigs JB, Groop L, Boehnke M†, McCarthy M†, Florez JC† and Barroso I† for the MAGIC investigators. *New genetic loci implicated in fasting glucose homeostasis and their impact on type 2 diabetes risk*. Nature Genetics Vol 42 pp 105-106, Epub January 17 2010

## 2009

6. Terracciano A, Tanaka T, Sutin AR, Deiana B, Balaci L, **Sanna S**, Olla N, Maschio A, Uda M, Ferrucci L, Schlessinger D, Costa PT Jr. *BDNF Val66Met is Associated with Introversion and Interacts with 5-HTTLPR to Influence Neuroticism*. Neuropsychopharmacology. Epub 2009 Dec 30.
7. Li Y, Willer C, **Sanna S**, Abecasis G. *Genotype imputation*. Annu Rev Genomics Hum Genet. 2009;10:387-406.
8. Galanello R, **Sanna S**, Perseu L, Sollaino MC, Satta S, Lai ME, Barella S, Uda M, Usala G, Abecasis GR, Cao A. *Amelioration of Sardinian beta-zero thalassemia by genetic modifiers*. Blood. 2009 Oct 29;114(18):3935-7. Epub 2009 Aug 20.
9. Milan DJ, Kim AM, Winterfield JR, Jones IL, Pfeufer A, **Sanna S**, Arking DE, Amsterdam AH, Sabeh KM, Mably JD, Rosenbaum DS, Peterson RT, Chakravarti A, Kääh S, Roden DM, MacRae CA. *Drug-sensitized zebrafish screen identifies multiple genes, including GINS3, as regulators of myocardial repolarization*. Circulation. 2009 Aug 18;120(7):553-9. Epub 2009 Aug 3.
10. Nolte IM, Wallace C, Newhouse SJ, Waggott D, Fu J, Soranzo N, Gwilliam R, Deloukas P, Savelieva I, Zheng D, Dalageorgou C, Farrall M, Samani NJ, Connell J, Brown M, Dominiczak A, Lathrop M, Zeggini E, Wain LV; Wellcome Trust Case Control Consortium; DCCT/EDIC Research Group, Newton-Cheh C, Eijgelsheim M, Rice K, de Bakker PI; QTGEN consortium, Pfeufer A, **Sanna S**, Arking DE; QTSCD consortium, Asselbergs FW, Spector TD, Carter ND, Jeffery S, Tobin M, Caulfield M, Snieder H, Paterson AD, Munroe PB, Jamshidi Y. *Common genetic variation near the phospholamban gene is associated with cardiac repolarisation: meta-analysis of three genome-wide association studies*. PLoS One. 2009 Jul 9;4(7):e6138.
11. Lindgren CM\*, Heid IM\*, Randall JC\*, Lamina C\*, Steinthorsdottir V\*, Qi L, Speliotes EK, Thorleifsson G, Willer CJ, Herrera BM, Jackson AU, Lim N, Scheet P, Soranzo N, Amin N, Aulchenko YS, Chambers JC, Drong A, Luan J, Lyon HN, Rivadeneira F, **Sanna S**, Timpson NJ, Zillikens MC, Zhao JH, Almgren P, Bandinelli S, Bennett AJ, Bergman RN, Bonnycastle LL, Bumpstead SJ, Chanock SJ, Cherkas L, Chines P, Coin L, Cooper C, Crawford G, Doering A, Dominiczak A, Doney AS, Ebrahim S, Elliott P, Erdos MR, Estrada K, Ferrucci L, Fischer G, Forouhi NG, Gieger C, Grallert H, Groves CJ, Grundy S, Guiducci C, Hadley D, Hamsten A, Havulinna AS, Hofman A, Holle R, Holloway JW, Illig T, Isomaa B, Jacobs LC, Jameson K, Jousilahti P, Karpe F, Kuusisto J, Laitinen J, Lathrop GM, Lawlor DA, Mangino M, McArdle WL, Meitinger T, Morken MA, Morris AP, Munroe P, Narisu N, Nordström A, Nordström P, Oostra BA, Palmer CN, Payne F, Peden JF, Prokopenko I, Renström F, Ruukonen A, Salomaa V, Sandhu MS, Scott LJ, Scuteri A, Silander K, Song K, Yuan X, Stringham HM, Swift AJ, Tuomi T, Uda M, Vollenweider P, Waeber G, Wallace C, Walters GB, Weedon MN; Wellcome Trust Case Control Consortium, Wittteman JC, Zhang C, Zhang W, Caulfield MJ, Collins FS, Davey Smith G, Day IN, Franks PW, Hattersley AT, Hu FB, Jarvelin MR, Kong A, Kooner JS, Laakso M, Lakatta E, Mooser V, Morris AD, Peltonen L, Samani NJ, Spector TD, Strachan DP, Tanaka T, Tuomilehto J, Uitterlinden AG, van Duijn CM, Wareham NJ, Hugh Watkins; Procardis Consortia, Waterworth DM, Boehnke M, Deloukas P, Groop L, Hunter DJ, Thorsteinsdottir U, Schlessinger D, Wichmann HE, Frayling TM, Abecasis GR, Hirschhorn JN, Loos RJ, Stefansson K, Mohlke KL, Barroso I, McCarthy MI; Giant Consortium. *Genome-wide association scan meta-analysis identifies three Loci influencing adiposity and fat distribution*. PLoS Genet. 2009 Jun;5(6):e1000508. Epub 2009 Jun 26.
12. Kolz M\*, Johnson T\*, **Sanna S**, Teumer A, Vitart V, Perola M, Mangino M, Albrecht E, Wallace C, Farrall M, Johansson A, Nyholt DR, Aulchenko Y, Beckmann JS, Bergmann S, Bochud M, Brown M, Campbell H; EUROSPAN Consortium, Connell J, Dominiczak A, Homuth G, Lamina C, McCarthy MI; ENGAGE Consortium, Meitinger T, Mooser V, Munroe P, Nauck M, Peden J, Prokisch H, Salo P, Salomaa V, Samani NJ, Schlessinger D, Uda M, Völker U, Waeber G, Waterworth D, Wang-Sattler R, Wright AF, Adamski J, Whitfield JB, Gyllenstein U, Wilson JF, Rudan I, Pramstaller P, Watkins H; PROCARDIS Consortium, Doering A, Wichmann HE; KORA Study, Spector TD, Peltonen L, Völzke H, Nagaraja R, Vollenweider P, Caulfield M; WTCCC, Illig T, Gieger C. *Meta-analysis of 28,141 individuals identifies common variants within five new loci that influence uric acid concentrations*. PLoS Genet. 2009 Jun;5(6):e1000504. Epub 2009 Jun 5.
13. C. Newton-Cheh\*, T. Johnson\*, V. Gateva\*, Martin D Tobin\*, Bochud M, Coin L, Najjar SS, Zhao JH, Heath SC, Eyheramendy S, Papadakis K, Voight BF, Scott LJ, Zhang F, Farrall M, Tanaka T, Wallace C, Chambers JC, Khaw KT,

Nilsson P, van der Harst P, Polidoro S, Grobbee DE, Onland-Moret NC, Bots ML, Wain LV, Elliott KS, Teumer A, Luan J, Lucas G, Kuusisto J, Burton PR, Hadley D, McArdle WL; Wellcome Trust Case Control Consortium, Brown M, Dominiczak A, Newhouse SJ, Samani NJ, Webster J, Zeggini E, Beckmann JS, Bergmann S, Lim N, Song K, Vollenweider P, Waeber G, Waterworth DM, Yuan X, Groop L, Orho-Melander M, Allione A, Di Gregorio A, Guarrera S, Panico S, Ricceri F, Romanazzi V, Sacerdote C, Vineis P, Barroso I, Sandhu MS, Luben RN, Crawford GJ, Jousilahti P, Perola M, Boehnke M, Bonnycastle LL, Collins FS, Jackson AU, Mohlke KL, Stringham HM, Valle TT, Willer CJ, Bergman RN, Morken MA, Döring A, Gieger C, Illig T, Meitinger T, Org E, Pfeufer A, Wichmann HE, Kathiresan S, Marrugat J, O'Donnell CJ, Schwartz SM, Siscovick DS, Subirana I, Freimer NB, Hartikainen AL, McCarthy MI, O'Reilly PF, Peltonen L, Pouta A, de Jong PE, Snieder H, van Gilst WH, Clarke R, Goel A, Hamsten A, Peden JF, Seedorf U, Syvänen AC, Tognoni G, Lakatta EG, **Sanna S**, Scheet P, Schlessinger D, Scuteri A, Dörr M, Ernst F, Felix SB, Homuth G, Lorbeer R, Reffellmann T, Rettig R, Völker U, Galan P, Gut IG, Herberg S, Lathrop GM, Zelenika D, Deloukas P, Soranzo N, Williams FM, Zhai G, Salomaa V, Laakso M, Elosua R, Forouhi NG, Völzke H, Uitterwaal CS, van der Schouw YT, Numans ME, Matullo G, Navis G, Berglund G, Bingham SA, Kooner JS, Connell JM, Bandinelli S, Ferrucci L, Watkins H, Spector TD, Tuomilehto J, Altshuler D, Strachan DP, Laan M, Meneton P, Wareham NJ, Uda M, Jarvelin MR, Mooser V, Melander O, Loos RJ, Elliott P, Abecasis GR, Caulfield M, Munroe PB. *Genome-wide association study identifies eight loci associated with blood pressure*. Nat Genet 2009; 41: 666 – 676. Epub May 10.

14. **Sanna S**\*, Busonero F\*, Maschio A, McArdle PF, Usala G, Dei M, Lai S, Mulas A, Piras MG, Perseu L, Masala M, Marongiu M, Crisponi L, Naitza S, Galanello R, Abecasis GR, Shuldiner AR, Schlessinger D, Cao A, Uda M.. *Common variants in the SLC10B3 locus are associated with bilirubin levels and unconjugated hyperbilirubinemia*. HMG 2009 Jul 15;18(14):2711-8. Epub 2009 May 6.
15. Pfeufer A\*, **Sanna S**\*, Arking D. E.\*, Müller M, Gateva V, Fuchsberger C, Ehret GB, Orrú M, Pattaro C, Köttgen A, Perz S, Usala G, Barbalic M, Li M, Pütz B, Scuteri A, Prineas RJ, Sinner MF, Gieger C, Najjar SS, Kao WH, Mühlisen TW, Dei M, Happle C, Möhlenkamp S, Crisponi L, Erbel R, Jöckel KH, Naitza S, Steinbeck G, Marroni F, Hicks AA, Lakatta E, Müller-Myhsok B, Pramstaller PP, Wichmann HE, Schlessinger D, Boerwinkle E, Meitinger T, Uda M, Coresh J, Kääb S, Abecasis GR, Chakravarti A. *Common variants at ten loci modulate the QT interval duration in individuals of European ancestry: the QTSCD consortium*. Nat Genet 2009 Epub April 2009 Nat Genet. 2009 Apr;41(4):407-14. Epub 2009 Mar 22.
16. A Terracciano, L Balaci, J Thayer, M Scally, S Kokinos, L Ferrucci, T Tanaka, A B. Zonderman, **S Sanna**, N Olla, M A Zuncheddu, S Naitza, F Busonero, M Uda, D Schlessinger, G R Abecasis, P T. Costa Jr. *Variants of the Serotonin Transporter Gene and NEO-PI-R Neuroticism: No Association in the BLSA and SardinIA Samples*. Am J Med Genet Part B 150B:1070-1077.
17. Tarasov K.\*, **Sanna S**\* et al. *COL4A1 is Associated with Arterial Stiffness by Genome Wide Association Scan*. Circulation Genetics 2009, 2009;2:151-158

## 2008

18. I Prokopenko, C Langenberg, J C Florez, R Saxena, N Soranzo, G Thorleifsson, R J F Loos, A K Manning, A U Jackson, Y Aulchenko, S C Potter, M R Erdos, **S Sanna**, J Hottenga, E Wheeler, M Kaakinen, V Lyssenko, WM Chen, K Ahmadi, J S Beckmann, R N Bergman, M Bochud, L L Bonnycastle, T A Buchanan, A Cao, A Cervino, L Coin, F S Collins, L Crisponi, E J C de Geus, A Dehghan, P Deloukas, A S F Doney, P Elliott, N Freimer, V Gateva, C Herder, A Hofman, T E Hughes, S Hunt, T Illig, M Inouye, B Isomaa, T Johnson, A Kong, M Krestyaninova, J Kuusisto, M Laakso, N Lim, U Lindblad, C M Lindgren, O T McCann, K L Mohlke, A D Morris, S Naitza, M Orrù, C N A Palmer, A Pouta, J Randall, W Rathmann, J Saramies, P Scheet, L J Scott, A Scuteri, S Sharp, E Sijbrands, J H Smit, K Song, V Steinthorsdottir, H M Stringham, T Tuomi, J Tuomilehto, A G Uitterlinden, B F Voight, D Waterworth, H-E Wichmann, G Willemsen, J C M Witterman, X Yuan, J Hua Zhao, E Zeggini, D Schlessinger, M Sandhu, D I Boomsma, M Uda, T D Spector, B WJH Penninx, D Altshuler, P Vollenweider, M R Jarvelin, E Lakatta, G Waeber, C S Fox, L Peltonen, L C Groop, V Mooser, L A Cupples, U Thorsteinsdottir, M Boehnke, I Barroso, C Van Duijn, J Dupuis, R M Watanabe, K Stefansson, M I McCarthy, N J Wareham, J B Meigs & G R Abecasis. *Variants in MTRN1B influence fasting glucose levels* Nat Genet. 2009 Jan;41(1):77-81. Epub December 8 2008
19. Willer CJ, Speliotes EK, Loos RJ, Li S, Lindgren CM, Heid IM, Berndt SI, Elliott AL, Jackson AU, Lamina C, Lettre G, Lim N, Lyon HN, McCarroll SA, Papadakis K, Qi L, Randall JC, Roccascicca RM, **Sanna S**, Scheet P, Weedon MN, Wheeler E, Zhao JH, Jacobs LC, Prokopenko I, Soranzo N, Tanaka T, Timpson NJ, Almgren P, Bennett A, Bergman RN, Bingham SA, Bonnycastle LL, Brown M, Burt NP, Chines P, Coin L, Collins FS, Connell JM, Cooper C, Smith GD, Dennison EM, Deodhar P, Elliott P, Erdos MR, Estrada K, Evans DM, Gianniny L, Gieger C, Gillson CJ, Guiducci C, Hackett R, Hadley D, Hall AS, Havulinna AS, Hebebrand J, Hofman A, Isomaa B, Jacobs KB, Johnson T, Jousilahti P, Jovanovic Z, Khaw KT, Kraft P, Kuokkanen M, Kuusisto J, Laitinen J, Lakatta EG, Luan J, Luben RN, Mangino M,

McArdle WL, Meitinger T, Mulas A, Munroe PB, Narisu N, Ness AR, Northstone K, O'Rahilly S, Purmann C, Rees MG, Ridderstråle M, Ring SM, Rivadeneira F, Ruokonen A, Sandhu MS, Saramies J, Scott LJ, Scuteri A, Silander K, Sims MA, Song K, Stephens J, Stevens S, Stringham HM, Tung YC, Valle TT, Van Duijn CM, Vimalaswaran KS, Vollenweider P, Waeber G, Wallace C, Watanabe RM, Waterworth DM, Watkins N; Wellcome Trust Case Control Consortium, Witteman JC, Zeggini E, Zhai G, Zillikens MC, Altshuler D, Caulfield MJ, Chanock SJ, Farooqi IS, Ferrucci L, Guralnik JM, Hattersley AT, Hu FB, Jarvelin MR, Laakso M, Mooser V, Ong KK, Ouwehand WH, Salomaa V, Samani NJ, Spector TD, Tuomi T, Tuomilehto J, Uda M, Uitterlinden AG, Wareham NJ, Deloukas P, Frayling TM, Groop LC, Hayes RB, Hunter DJ, Mohlke KL, Peltonen L, Schlessinger D, Strachan DP, Wichmann HE, McCarthy MI, Boehnke M, Barroso I, Abecasis GR, Hirschhorn JN; Genetic Investigation of ANthropometric Traits Consortium. *Six new loci associated with body mass index highlight a neuronal influence on body weight regulation* Nat Genet. 2009 Jan;41(1):25-34. Epub December 14 2008.

20. S Kathiresan, C J Willer, G Peloso, S Demissie, K Musunuru, E Schadt, L Kaplan, D Bennett, Y Li, T Tanaka, B F Voight, L L Bonnycastle, A U Jackson, G Crawford, A Surti, C Guiducci, N Burt, S Parish, R Clarke, D Zelenika, K A Kubalanza, M A Morken, L J Scott, H M Stringham, P Galan, A J Swift, J Kuusisto, R N Bergman, J Sundvall, M Laakso, L Ferrucci, P Scheet, **S Sanna**, M Uda, Q Yang, K Lunetta, J Dupuis, P I deBakker, C J O'Donnell, J C Chambers, J S Kooner, S Herberg, P Meneton, E G Lakatta, A Scuteri, D Schlessinger, J Tuomilehto, F S Collins, L Groop, D Altshuler, R Collins, G M Lathrop, O Melander, V Salomaa, L Peltonen, M Orho-Melander, J M Ordovas, M Boehnke, G R Abecasis, K L Mohlke & L A Cupples. *Common variants at 30 loci contribute to polygenic dyslipidemia*. Nat Genet. 2009 Jan;41(1):56-65. Epub Dec 8 2008
  
21. A Terracciano, **S Sanna**, M Uda, B Deiana, G Usala, F Busonero, A Maschio, M Scally, N Patriciu, W-M Chen, MA Distel, EP Slagboom, DI Boomsma, S Villafuerte, E S' liwerska, M Burmeister, N Amin, ACJW Janssens, CM van Duijn, D Schlessinger, GR Abecasis, and PT Costa. *Genome-wide association scan for five major dimensions of personality*. Molec. Psychiatry Epub 28 October 2008
  
22. Lettre G, Sankaran VG, Bezerra MA, Araújo AS, Uda M, **Sanna S**, Cao A, Schlessinger D, Costa FF, Hirschhorn JN, Orkin SH. *DNA polymorphisms at the BCL11A, HBS1L-MYB, and {beta}-globin loci associate with fetal hemoglobin levels and pain crises in sickle cell disease*. Proc Natl Acad Sci U S A. Aug 19;105(33):11869-74. Epub 2008 Jul 30.
  
23. Chen WM, Erdos MR, Jackson AU, Saxena R, **Sanna S**, Silver KD, Timpson NJ, Hansen T, Orrù M, Grazia Piras M, Bonnycastle LL, Willer CJ, Lyssenko V, Shen H, Kuusisto J, Ebrahim S, Sestu N, Duren WL, Spada MC, Stringham HM, Scott LJ, Olla N, Swift AJ, Najjar S, Mitchell BD, Lawlor DA, Smith GD, Ben-Shlomo Y, Andersen G, Borch-Johnsen K, Jørgensen T, Saramies J, Valle TT, Buchanan TA, Shuldiner AR, Lakatta E, Bergman RN, Uda M, Tuomilehto J, Pedersen O, Cao A, Groop L, Mohlke KL, Laakso M, Schlessinger D, Collins FS, Altshuler D, Abecasis GR, Boehnke M, Scuteri A, Watanabe RM. *Variations in the G6PC2/ABCB11 genomic region are associated with fasting glucose levels*. JCI 2008 Jul;118(7):2620-8. Epub 2008 June 2
  
24. Arnaud-Lopez L, Usala G, Ceresini G, Mitchell BD, Pilia MG, Piras MG, Sestu N, Maschio A, Busonero F, Albai G, Dei M, Lai S, Mulas A, Crisponi L, Tanaka T, Bandinelli S, Guralnik JM, Loi A, Balaci L, Sole G, Prinzi A, Mariotti S, Shuldiner AR, Cao A, Schlessinger D, Uda M, Abecasis GR, Nagaraja R, **Sanna S**, Naitza S. *Phosphodiesterase 8B Gene Variants Are Associated with Serum TSH Levels and Thyroid Function*. AJHG 2008 Jun;82(6):1270-80. Epub 2008 May 29
  
25. Loos RJ, Lindgren CM, Li S, Wheeler E, Zhao JH, Prokopenko I, Inouye M, Freathy RM, Attwood AP, Beckmann JS, Berndt SI; Prostate, Lung, Colorectal, and Ovarian (PLCO) Cancer Screening Trial, Jacobs KB, Chanock SJ, Hayes RB, Bergmann S, Bennett AJ, Bingham SA, Bochud M, Brown M, Cauchi S, Connell JM, Cooper C, Smith GD, Day I, Dina C, De S, Dermizakis ET, Doney AS, Elliott KS, Elliott P, Evans DM, Sadaf Farooqi I, Froguel P, Ghorji J, Groves CJ, Gwilliam R, Hadley D, Hall AS, Hattersley AT, Hebebrand J, Heid IM; KORA, Lamina C, Gieger C, Illig T, Meitinger T, Wichmann HE, Herrera B, Hinney A, Hunt SE, Jarvelin MR, Johnson T, Jolley JD, Karpe F, Keniry A, Khaw KT, Luben RN, Mangino M, Marchini J, McArdle WL, McGinnis R, Meyre D, Munroe PB, Morris AD, Ness AR, Neville MJ, Nica AC, Ong KK, O'Rahilly S, Owen KR, Palmer CN, Papadakis K, Potter S, Pouta A, Qi L; Nurses' Health Study, Randall JC, Rayner NW, Ring SM, Sandhu MS, Scherag A, Sims MA, Song K, Soranzo N, Speliotes EK; Diabetes Genetics Initiative, Syddall HE, Teichmann SA, Timpson NJ, Tobias JH, Uda M; SardiNIA Study, Vogel CI,



Wallace C, Waterworth DM, Weedon MN; Wellcome Trust Case Control Consortium, Willer CJ; FUSION, Wraight, Yuan X, Zeggini E, Hirschhorn JN, Strachan DP, Ouwehand WH, Caulfield MJ, Samani NJ, Frayling TM, Vollenweider P, Waeber G, Mooser V, Deloukas P, McCarthy MI, Wareham NJ, Barroso I, Jacobs KB, Chanock SJ, Hayes RB, Lamina C, Gieger C, Illig T, Meitinger T, Wichmann HE, Kraft P, Hankinson SE, Hunter DJ, Hu FB, Lyon HN, Voight BF, Ridderstrale M, Groop L, Scheet P, **Sanna S**, Abecasis GR, Albai G, Nagaraja R, Schlessinger D, Jackson AU, Tuomilehto J, Collins FS, Boehnke M, Mohlke KL. *Common variants near MC4R are associated with fat mass, weight and risk of obesity*. Nature Genetics 2008 Jun;40(6):768-75 . Epub 2008, May 4

26. G. Lettre\*, A. U. Jackson\*, C. Gieger\*, F.k R. Schumacher\*, S. I. Berndt\*, **S. Sanna\***, S. Eyheramendy, B. F. Voight, J. L. Butler, C. Guiducci, T. Illig, R. Hackett, I. Heid, K. B. Jacobs, V. Lyssenko, M. Uda, The Diabetes Genetics Initiative, FUSION, KORA, The Prostate, Lung Colorectal and Ovarian Cancer Screening Trial, The Nurses' Health Study, SardiNIA, M. Boehnke, S. J. Chanock, L. C. Groop, F. B. Hu, B. Isomaa, P. Kraft, L. Peltonen, V. Salomaa, D. Schlessinger, D. J. Hunter, R. B. Hayes, G. R. Abecasis, H.E. Wichmann, K. L. Mohlke, J. N. Hirschhorn. *Genome-wide association studies identify 10 novel loci for height and highlight new biological pathways in human growth*. Nature Genetics 2008 May;40(5):584-91. Epub 2008 April 8
27. M. Uda\*, R. Galanello\*, **S. Sanna\***, G. Lettre, V. G. Sankaran, WM Chen, G. Usala, F. Busonero, A. Maschio, G. Albai, M. G. Piras, N. Sestu, S. Lai, M. Dei, A. Mulas, L. Crisponi, S. Naitza, I. Asunis, M. Deiana, R. Nagaraja, L. Perseu, S. Satta, M. D. Cipollina, C. Sollaino, P. Moi, J. N. Hirschhorn, S. H. Orkin, G. R. Abecasis, D. Schlessinger, A. Cao. *Genome-wide association study shows BCL11A associated with persistent HbF and amelioration of the phenotype of  $\beta$ -thalassemia*. PNAS 2008 Feb 5;105(5):1620-5.
28. C. J. Willer\*, **S. Sanna\***, A U. Jackson, A. Scuteri, L. L. Bonnycastle, R. Clarke, S. C. Heath, N. J. Timpson, S S. Najjar, H. M. Stringham, J. Strait, W. L. Duren, A. Maschio, F. Busonero, A. Mulas, G. Albai, A. J. Swift, M. A. Morken, N. Narisu, D. Bennett, S. Parish, H. Shen, P. Galan, P. M., S. Hercberg, D. Zelenika, WM Chen, Y. Li, J. Sundvall, R. M. Watanabe, R. Nagaraja, S. Ebrahim, D. A. Lawlor, Y. Ben-Shlomo, G. Davey-Smith, A. R. Shuldiner, R. Collins, R. N. Bergman, M. Uda, J. Tuomilehto, A. Cao, Francis S. Collins<sup>5</sup>, E. Lakatta, G. M Lathrop, M. Boehnke, D. Schlessinger, K. L. Mohlke & G. R. Abecasis. *Newly identified loci that influence lipid concentrations and risk of coronary artery disease*. Nature Genetics, Feb 2008;40(2):161-9.
29. **S. Sanna\***, A. U. Jackson\*, R. Nagaraja, C. J. Willer, WM Chen, L. L. Bonnycastle, H. Shen, N. Timpson, G. Lettre, G. Usala, P. S. Chines<sup>5</sup>, H. M. Stringham, M. Dei, S. Lai, G. Albai, L. Crisponi, S. Naitza, K. F. Doheny, E. W. Pugh, Y. B. Shlom, S. Ebrahim, D. A. Lawlor, R. N. Bergman, R. M. Watanabe, M. Uda, J. Tuomilehto, J. Coresh, J. N. Hirschhorn, A. R. Shuldiner, D. Schlessinger, F. S. Collins, G. Davey Smith, E. Boerwinkle, A. Cao, M. Boehnke, G. R. Abecasis & K. L. Mohlke. *Common variants in the GDF5-UQCC region are associated with variation in human height*. Nature Genetics, Feb 2008;40(2):198-203.

## 2007

30. S. Li\*, **S. Sanna\***, A. Maschio, F. Busonero, G. Usala, A. Mulas, Sandra Lai, M. Dei, M. Orru, Giuseppe Albai, S. Bandinelli, D. Schlessinger, E. Lakatta, A. Scuteri, S S. Najjar, G. Jack, S. Naitza, L. Crisponi, A. Cao, G. R. Abecasis, L. Ferrucci, M. Uda, WM Chen, R. Nagaraja. *The GLUT9 Gene is Associated with Serum Uric Acid Levels in Sardinia and Chianti Cohorts*. Plos Genetics. 2007, Vol. 3, No. 11,
31. A Scuteri\*, **S. Sanna\***, WM Chen, M Uda, G. Albai, S. Najjar, R Nagaraja, M Orru, G Usala, M De<sup>i</sup>, S Lai, A Maschio, F Busonero, A Mula, G B Ehret, A A Fink, A Weder, R Cooper, P Galan, A Chakravarti, D Schlessinger, A Cao, E Lakatta, G R. Abecasis. *Genome Wide Association Scan shows Genetic Variants in the FTO gene are Associated with Obesity Related Traits*. Plos Genetic 2007, Vol. 3, No. 7
32. L. Balaci\*, M.C. Spada\* N. Olla, G. Sole, L. Loddo, F. Anedda, S. Naitza, M.A. Zuncheddu, A. Maschio, D. Altea, M. Uda, S. Pilia, **S. Sanna**, M. Masala, L. Crisponi, M. Fattori, M. Devoto, S. Doratiotto, S. Rassu, S. Mereu, E. Giua, N.G. Cadeddu, R. Atzeni, U. Pelosi, A. Corrias, R. Perra, P.L. Torrazza, P. Pirina, F. Ginesu, S. Marcias, M.G. Schintu, G.S. Del Giacco, P.E. Manconi, G. Malerba, A. Bisognin, E. Trabetti, A. Boner, L. Pescolliderungg, P.F. Pignatti, D. Schlessinger, A.Cao, G. Pilia. *IRAK-M is involved in the pathogenesis of early-onset persistent asthma*. Am. J. Hum. Genet., 2007, Vol. 80, No. 6

\* shared first-authorship

## Posters e Presentazioni a Congressi Scientifici (selezione)

### 2009

1. **S. Sanna**, N. Soranzo, E. Wheeler, C. Geiger, D. Radke, J. Dupuis, E. Stolerman, N. Bouatia-Naji, C. Langenberg, I. Prokopenko, M.S. Sandhu, W.H.L. Kao, N.J. Wareham, J.C. Florez, M. Uda, I. Barroso, J.B. Meigs, on behalf of MAGIC. *Common variants at ten loci influence glycosylated hemoglobin levels via glycaemic and non-glycaemic pathways*. ASHG Honolulu, 20-24 October 2009 *Poster PB#666*
2. **S. Sanna**, F. Busonero, A Maschio, P F. McArdle, G Usala, M Dei, S Lai, A Mulas, M G Piras, L Perseu, M Masala, M Marongiu, L Crisponi, S Naitza, R Galanello, G R. Abecasis, A R. Shuldiner, D Schlessinger, A Cao, M Uda. *Genome-wide association scan for bilirubin levels in a Sardinian population* ESHG Vienna, 23-26 June 2009 (**Oral communication**)
3. A Pfeufer, **S. Sanna**, D E. Arking, M Müller, V Gateva, C Fuchsberger, C Pattaro, A Scuteri, M F. Sinner, S S. Najjar, W.H. L Kao, T W. Mühleisen, S Möhlenkamp, R Erbel, K-H Jöckel, F Marroni, A A. Hicks, E Lakatta, B. Müller-Myhsok, P.P. Pramstaller, H.-E. Wichmann, D Schlessinger, E Boerwinkle, T Meitinger, M Uda, J Coresh, S Kääh, G R. Abecasis, A Chakravarti for the ARIC, KORA, SardinIA, GenNOVA and Heinz Nixdorf Recall Study Groups. *Common variants at ten loci modulate the QT interval duration in individuals of European ancestry: the QTSCD consortium*. ESHG Vienna, 23-26 June 2009 (Oral communication)

### 2008

4. R. Galanello, **S. Sanna**, L. Perseu, MC Sollaino, S. Satta, M. Uda, G. Usala, G. Abecasis, D. Schlessinger, A. Cao. *Genetic Modifiers of Homozygous Beta Zero Thalassemia*. ASH 2008 Poster
5. K. V. Tarasov, **S. Sanna**, A. Scuteri, J. B. Strait, M. Orrù, A. Parsa, P.-I. Lin, A. Maschio, W. Post, A. Cao, R. Nagaraja, B. Mitchell, G. Abecasis, A. R. Shuldiner, M. Uda, E. G. Lakatta, S. S. Najjar, D. Schlessinger. *COL4A1 Polymorphism Is Associated With Pulse Wave Velocity By Genome Wide Association Scan*. ASHG, 58th meeting, Philadelphia 2008. *Poster #1986*
6. Terracciano, **S. Sanna**, M. Uda, B. Deiana, EP. Slagboom, DI. Boomsma, S. Villafuerte, M. Burmeister, AC. Janssens, CM. van Duijn, WM. Chen, D. Schlessinger, GR. Abecasis, PTJr. Costa. *Genome-wide association scan for the five major dimensions of personality*. ASHG, 58th meeting, Philadelphia 2008. *Poster #1908*
7. M. Uda, **S. Sanna**, F. Busonero, M. G. Piras, G. Usala, A. Maschio, A. Mulas, M. Dei, S. Lai, N. Sestu, S. Naitza, L. Crisponi, M. Masala, G. Cuccuru, M. Marongiu, L. Perseu, R. Galanello, G. R. Abecasis, S. Schlessinger, A. Cao. *Genome-wide association scan for serum bilirubin levels in a Sardinian cohort*. ASHG, ASHG, 58th meeting, Philadelphia 2008. *Poster #75*
8. **S. Sanna**, LA Lopez, G. Usala, G. Ceresini, M. G. Pilia, M. G. Piras, N. Sestu, A. Maschio, F. Busonero, M. Dei, S. Lai, A. Mulas, L. Crisponi, T. Tanaka, S. Bandinelli, J. Guralnik, B. D. Mitchell, A. Loi, A. Prinzi, S. Mariotti, A. R. Shuldiner, L. Ferrucci, A. Cao, D. Schlessinger, M. Uda, G. Abecasis, R Nagaraja and S. Naitza. *Genome-wide association scan for serum TSH levels in 2375 Sardinian*. ESHG meeting, Barcelona, Spain, May 31-June 2 2008. *Oral Communication*

### 2007

9. **S. Sanna**, A. U. Jackson, G. Usala, C. J. Willer, M. Dei, L. L. Bonnycastle, S. Lai, Y. Li, M. Uda, M. R. Erdos, H. Shen, A. Suldiner, A. Cao, R. M. Bergnam, D. Schlessinger, F.S. Collins, M. Boehnke, G. R. Abecasis, R. Nagaraja, K. L. Mohlke. *Genome-wide association scan for height in 6,671 individuals from Finland and Sardinia*. ASHG, 57<sup>th</sup> meeting, San Diego, October 2007. *Poster #2671*
10. M. Uda, **S. Sanna**, WM Chen, G. Usala, A. Maschio, F. Busonero, A. Mulas, M. Dei, S. Lai, A. Scuteri, M. Orru, S. Naitza, L. Crisponi, M. Masala, E. Lakatta, P. Costa, G. Abecasis, D. Schlessinger, A. Cao. *First results of genome-wide association using jointly 10K and 500K Affymetrix chips in a Sardinian cohort*. ASHG, 57<sup>th</sup> meeting, San Diego, October 2007. *Poster #2455*

11. S. Li, **S. Sanna**, M. Dei, G. Usala, A. Maschio, F. Busonero, A. Mulas, M. Orru, G. Albai, S. Bandinelli, D. Schlessinger, A. Scuteri, S. Najjar, A. Cao, G. R. Abecasis, L. Ferruci, M. Uda, WM Chen, R. Nagaraja. *The GLUT9 gene is associated with serum uric acid levels in Sardinia and Chianti cohorts*. ASHG, 57<sup>th</sup> meeting, San Diego, October 2007. Poster #2647
12. S. Naitza, L. Balaci, M. C. Spada, N. Olla, G. Sole, F. Anedda, M. A. Zuncheddu, A. Maschio, C. Caria, S. Sanna, S. Pilia, **S. Sanna**, L. Crisponi, G. Malerba, P. F. Pignatti, D. Schlessinger, A. Cao, M. Uda. *Mutational and functional analysis of the IRAK-M gene in Sardinian asthmatic patients..* ASHG, 57<sup>th</sup> meeting, San Diego, October 2007. Poster #2491
13. M. Uda, R. Galanello, **S. Sanna**, G. Lettre, V. G. Sankaran, G. Usala, F. Busonero, A. Maschio, S. Lai, L. Crisponi, S. Naitza, I. Asunis, M. Deiana, M. Marongiu, L. Porcu, M. Lovicu, R. Nagaraja, L. Perseu, S. Satta, P. Moi, S. H. Orkin, G. R. Abecasis, D. Schlessinger, J. N. Hirschhorn, A. Cao. *BCL11A is associated with persistent HbF and ameliorates the  $\beta$ -thalassemia phenotype*. ESHG meeting, Barcelona, Spain, May 31-June 2 2008. Oral Communication
14. C. J. Willer, A. Scuteri, L. L. Bonnycastle, **S. Sanna**, A. U. Jackson, A. Maschio, W. L. Duren, F. Busonero, R. Pruim, R. Watanabe, S. Najjar, L. J. Scott, M. Uda, J. Tuomiletho, M. Uda, G. R. Abecasis, F.S. Collins, D. Schlessinger, K. L. Mohle, E. Lakatta, Diabetes Genetics Initiative. *Genome-wide association scan for HDL-cholesterol, LDL-cholesterol and triglyceride levels in 9,000 individuals..* ASHG, 57<sup>th</sup> meeting, San Diego, October 2007. Poster #1783
15. WM Chen, A. U. Jackson, A. Scuteri, M. R. Erdos, M. Uda, W. Duren, **S. Sanna**, H. Stringham, A. Mulas, A. Shen, L. J. Scott, S. Najjar, A. Shuldiner, J. Tuomiletho, E. Lakatta, R. N. Bergman, D. Schlessinger, M. Boehnke, G. R. Abecasis, R. Watanabe. *Genome-wide association scans in cohorts from Sardinia and Finland identify a locus for fasting glucose*. ASHG, 57<sup>th</sup> meeting, San Diego, October 2007. Poster #259
16. **S. Sanna**, WM Chen, G. Pilia, G. Albai, G. Usala, A. Maschio, F. Busonero, A. Mulas, M. Dei, S. Lai, M.G. Piras, N. Sestu, M. Masala, M. Orrú, B. Deiana, S. Naitza, L. Crisponi, A. Scuteri, E. Lakatta, P. Costa, G.R. Abecasis, D. Schlessinger, M. Uda & A. Cao. *Genome-wide association using jointly 10k and 500k Affymetrix chip in a Sardinia cohort*. 3<sup>th</sup> International Meeting on Genetics of complex Diseases and Isolated Population, **Oral Communication**, Turin, May 28<sup>th</sup> 2007.

## Seminari e Docenze

*Gli studi di associazione dell'intero genoma*. Corso: "Epidemiologia e genomica: scenari possibili per la sanità pubblica". 2 Dicembre 2009, Istituto Superiore di Sanità. Roma, Italy

*Gli studi di associazione dell'intero genoma*. Corso "Grandangolo: genetica delle malattie complesse." Ottobre 1-2 2009, Genova, Italy

*Genome-wide association (GWA) studies: Past, Present, Future*. Scuola di Specializzazione di Genetica Medica dell'Università di Cagliari. Ospedale Microcitemico, Cagliari, Italy. 29 Gennaio 2009

*Handling and analyzing data from a genome-wide association study*. Workshop. 26-28 Novembre 2007, European Academy, Bolzano, Italy.

*Statistical genetics in highly inter-related founder populations: the example of Sardinia*. National Institute of Aging (NIA), Baltimore, MD. 30 Ottobre 2007

*Genotype Imputation in the Context of Real Genome-wide Association Studies*. Interdisciplinary Group Seminar (IGS), University of Michigan, Ann Arbor, MI, 14 Agosto 2007.

## Premi e Riconoscimenti

ESHG 2008 Young Scientists Award, European Society of Human Genetics, Barcellona, 1 Giugno 2008.

## Scientific Referee for:

PLOS Genetics, June 2007

Journal of Medical Genetics, November-December 2008

Human Molecular Genetics, September 2009

## ISTRUZIONE E FORMAZIONE

- Data 1 Settembre 2007
- Nome e tipo di Istituto School of Public Health, Department of Biostatistics, University of Michigan (USA)
- Qualifica conseguita Postdoctoral fellow
- Supervisore Abecasis Goncalo

- Data 12 Dicembre 2003
- Nome e tipo di Istituto Università di Cagliari
- Qualifica conseguita Laurea in Matematica (vecchio ordinamento)
- Votazione 110/110 e lode
- Titolo della tesi Comportamento asintotico delle soluzioni di due equazioni ellittiche nel caso radiale.
- Relatore G. Porru

- Data Giugno 1999
- Nome e tipo di istituto Liceo Scientifico 'G. Marconi', San Gavino Monreale (CA)
- Qualifica conseguita Diploma di scuola superiore
- Votazione 100/100

## CAPACITÀ E COMPETENZE PERSONALI

MADRELINGUA **ITALIANA**

ALTRE LINGUE

### INGLESE

- Capacità di lettura/scrittura Ottima/Ottima
- Capacità di espressione orale Ottima
- attestati Attestato rilasciato dalla King's School of English (London) per la frequenza di un corso di 32 ore svoltosi a Beckenahm, dal 28/07/01 al 11/08/01.
- esperienze all'estero 09/2005- 09/ 2007 Post Doctoral Fellow presso l'Università del Michigan, USA

### FRANCESE

- Capacità di lettura/scrittura Buona/Buona
- Capacità di espressione orale Buona
- attestati Attestato rilasciato dalla ACCORD (Association Culturelle pour la Communication et les Rencontres Didactiques) per la frequenza del Cours de langue et civilisation française, a Senlis (Parigi).

## **CAPACITÀ E COMPETENZE RELAZIONALI**

Ottime capacità di lavoro di squadra, sia con persone specializzate in diversi settori, come medicina, biologia, informatica, ingegneria, statistica, che in ambiente multiculturale, grazie all'esperienza maturata presso:

2005/2007 – Dipartimento di Biostatistica, Michigan, USA.

2004/2005 – Istituto di Neurogenetica e Neurofarmacologia, CNR, Cagliari

## **CAPACITÀ E COMPETENZE TECNICHE INFORMATICHE**

Ottime capacità di lavoro in ambiente Unix, Linux, Windows e Macintosh.

Buone conoscenze di programmazione in Perl, R, C++, Matlab, MySQL.

### **Contatti per richiesta di lettera di referenza:**

Gonçalo R. Abecasis, Ph.D.  
Associate Professor  
Center for Statistical Genetics  
University of Michigan, MI  
United States  
telefono: +1 734 763-4901  
*E-mail:* goncalo@umich.edu

David Schlessinger, Ph.D.,  
Senior Investigator  
Chief, Human Genetics Section  
Chief, Laboratory of Genetics  
Nation Institute on Aging, MD  
United States  
telefono: +1 410 558-8337  
*E-mail:* schlessingerd@grc.nia.nih.gov

Manuela Uda, Phd  
Istituto di Neurogenetica e  
Neurofarmacologia, CNR  
Monsezzato (CA)  
Italy  
telefono: +1 070 675-4591  
*E-mail:* [manuela.uda@inn.cnr.it](mailto:manuela.uda@inn.cnr.it)

Autorizzo il trattamento dei miei dati personali contenuti nel presente Curriculum Vitae ai sensi della legge 196/2003 e dichiaro, ai sensi del DPR n. 445/2000, di essere consapevole che le dichiarazioni mendaci sono punite ai sensi del codice penale e delle leggi speciali in materia

Arbus, 25 Aprile 2010

In fede  
Serena Sanna